Evaluación de marcadores genómicos heterólogos de resistencia a la antracnosis en el mango criollo *Mangifera indica* de la ciudad de Medellín, Colombia



Juan Alejandro Ruiz Gutierrez¹; José Gregorio Martínez²

1. Estudiante de biotecnología. Semillero SIFACS. 2. Docente de la Facultad de Ciencias de la Salud Autor de Correspondencia: jaruiz@est.colmayor.edu.co

INTRODUCCIÓN

La antracnosis causada por el hongo *Colletotrichum* gloeosporioides es una de las enfermedades más destructivas del mango a nivel mundial. Esta enfermedad causa alrededor del 30-60% en el rendimiento de los frutos, los cuales pueden llegar hasta el 100% de daños en ambientes muy húmedos.

El mango (Magnifera indica) produce la enzima β -1,3-glucanasa capaz de actuar como bioplaguicida natural en diversas frutas.



OBJETIVOS

General

Identificar marcadores genómicos de resistencia a la antracnosis en mango criollo *Mangifera indica*.

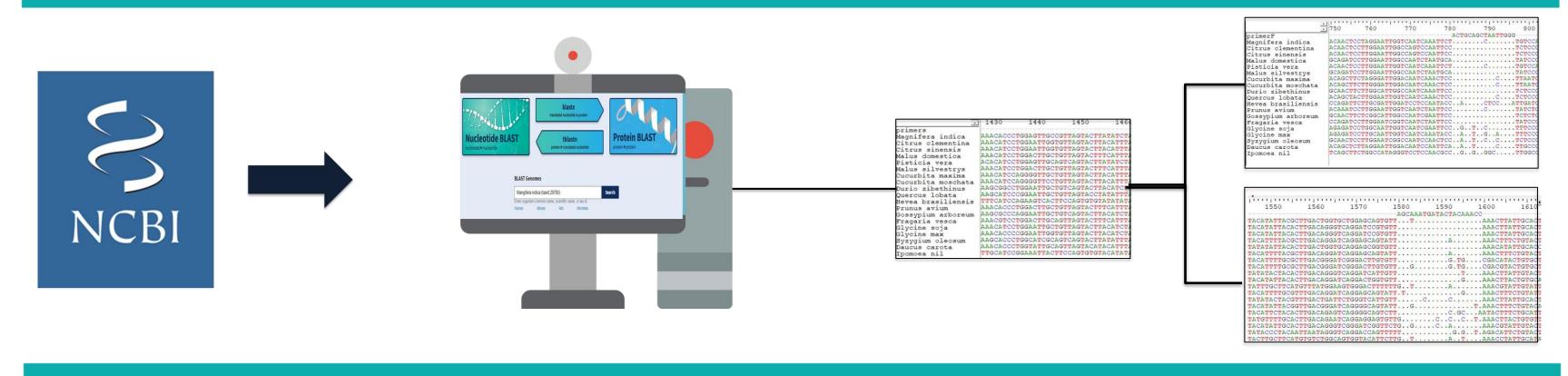
Específicos

1. Examinar bioinformáticamente la especificidad de cebadores heterólogos desarrollados en *Citrus sinensis* para la amplificación del marcador SNP de resistencia a antracnosis, del gen β -glucanasa, en el genoma del mango criollo.

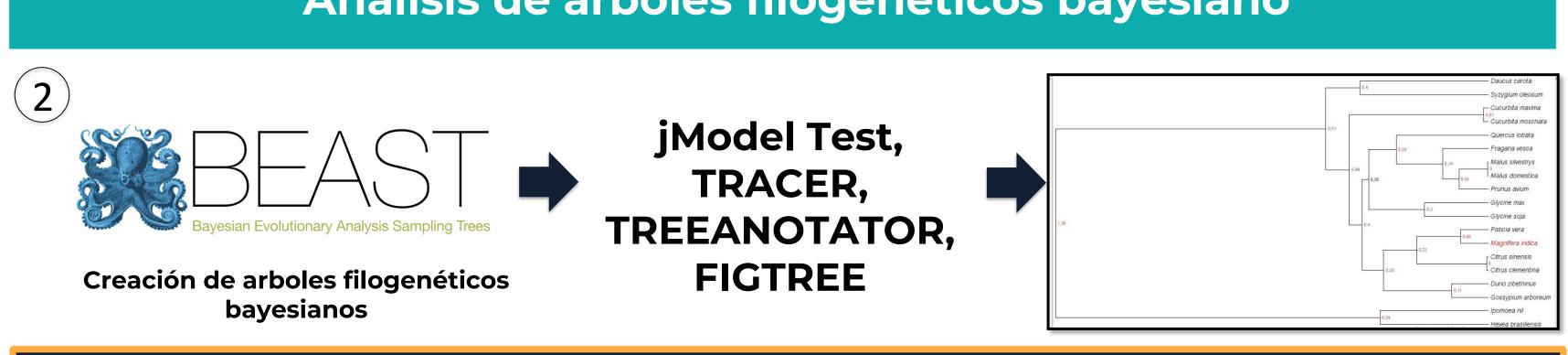
2. Evaluar la asociación alélica o genotípica del SNP del gen β - glucanasa con el fenotipo sano y susceptible a antracnosis en el mango criollo.

METODOLOGÍA

Recolección de datos y análisis de secuencias



Análisis de árboles filogenéticos bayesiano



RESULTADOS

Figura 1. Árbol filogenético bayesiano Figura 2. Análisis de calidad itrus clementina Citrus sinensis CTAATGCA......TATCCCAGGAGCAGTATT. Malus domestica Malus silvestrys Cucurbita maxima Cucurbita moschata Durio zibethinus Quercus lobata Hevea brasiliensis Gossypium arboreum Glycine soja Slycine max Syzygium oleosum CCAATTCA..A..T.....C....TTGCCCCAAGACCAGTTTTT aucus carota CCAACGCC..G..G..GGC.....TTGGCCGGGTACATTCTTG..T..... pomoea nil

CONCLUSIÓN

Los cebadores heterólogos no fueron 100% específicos para *Mangifera indica*, a pesar de su cercanía filogenética a *Citrus sinensis*, requiriendo la modificación de al menos 1 nucleótido por cada primer para su correcto anillamiento.

BIBLIOGRAFÍA

FAO, Global fruit production in 2019, by selected variety (in million metric tons) [WWW document]. Statistica, URL, 3.31.21, https://www.statista.com/statistics/ 264001/worldwide-production-of-fruit-by-variety/%0A, 2019

L.F. Arauz, Mango anthracnose: economic impact and current options for integrated management, Plant Dis. 84 (2000) 600–611, https://doi.org/10.1094/ PDIS.2000.84.6.600. [

R. Fitzell, C. Peak, The epidemiology of anthracnose disease of mango: inoculum sources; spore production and dispersal, Ann. Appl. Biol. 104 (1984) 53–59, https://doi.org/10.1111/j.1744-7348.1984.tb05586.x.







